

Comment évaluer l'évidence pour théories scientifiques avec R

Robert van Hulst

26 mai, 2017

Sujets :

L'évidence scientifique

Les tests d'hypothèses ne mesurent pas l'évidence

L'évidence Bayésienne

Le package `evidence`

Quelques analyses faites avec `evidence`

- Analyse de proportions

- Analyse de moyennes de distributions normales

- Comparaison de modèles

L'évidence scientifique

1. Les théories scientifiques se prononcent sur certains aspects de la réalité.

L'évidence scientifique

1. Les théories scientifiques se prononcent sur certains aspects de la réalité.
2. Malheureusement ces aspects sont souvent difficiles à observer...

L'évidence scientifique

1. Les théories scientifiques se prononcent sur certains aspects de la réalité.
2. Malheureusement ces aspects sont souvent difficiles à observer...
3. ils sont contaminés avec du "bruit".

L'évidence scientifique

1. Les théories scientifiques se prononcent sur certains aspects de la réalité.
2. Malheureusement ces aspects sont souvent difficiles à observer...
3. ils sont contaminés avec du "bruit".
4. L'inférence statistique nous aide à séparer le signal du bruit.

L'évidence scientifique

1. Les théories scientifiques se prononcent sur certains aspects de la réalité.
2. Malheureusement ces aspects sont souvent difficiles à observer...
3. ils sont contaminés avec du "bruit".
4. L'inférence statistique nous aide à séparer le signal du bruit.
5. Il y a plusieurs approches principales : statistique fréquentiste, statistique Bayésienne et statistique de vraisemblance.

L'évidence scientifique

1. Les théories scientifiques se prononcent sur certains aspects de la réalité.
2. Malheureusement ces aspects sont souvent difficiles à observer...
3. ils sont contaminés avec du “bruit”.
4. L'inférence statistique nous aide à séparer le signal du bruit.
5. Il y a plusieurs approches principales : statistique fréquentiste, statistique Bayésienne et statistique de vraisemblance.
6. Chacune de ces approches prétend qu'elle est capable de mesurer l'évidence...

Approches statistiques

1. Approche fréquentiste : pendant les derniers 75 ans la plus utilisée.

Approches statistiques

1. Approche fréquentiste : pendant les derniers 75 ans la plus utilisée.
2. Approche Bayesienne : utilisée pendant plus d'un siècle.

Approches statistiques

1. Approche fréquentiste : pendant les derniers 75 ans la plus utilisée.
2. Approche Bayesienne : utilisée pendant plus d'un siècle.
3. Approche de vraisemblance : utilisée pendant plus de 60 ans.

Approches statistiques

1. Approche fréquentiste : pendant les derniers 75 ans la plus utilisée.
2. Approche Bayesienne : utilisée pendant plus d'un siècle.
3. Approche de vraisemblance : utilisée pendant plus de 60 ans.
4. En pratique, l'inférence statistique que presque tout le monde utilise (ou mésuse) c'est la statistique fréquentiste (souvent mal comprise).

Approches statistiques

1. Approche fréquentiste : pendant les derniers 75 ans la plus utilisée.
2. Approche Bayesienne : utilisée pendant plus d'un siècle.
3. Approche de vraisemblance : utilisée pendant plus de 60 ans.
4. En pratique, l'inférence statistique que presque tout le monde utilise (ou mésuse) c'est la statistique fréquentiste (souvent mal comprise).
5. Il existent plusieurs raisons pour cet état des choses :

Les tests de signifiante et les tests d'hypothèses

1. Les tests de signifiante et les tests d'hypothèses sont deux approches différentes, mais beaucoup de scientifiques ne se rappellent pas comment ils diffèrent..

Les tests de signifiante et les tests d'hypothèses

1. Les tests de signifiante et les tests d'hypothèses sont deux approches différentes, mais beaucoup de scientifiques ne se rappellent pas comment ils diffèrent..
2. Toutefois beaucoup de scientifiques ne se soucient pas de la puissance du test (ni de la nécessité d'une analyse de puissance faite avant le test).

Les tests de signifiante et les tests d'hypothèses

1. Les tests de signifiante et les tests d'hypothèses sont deux approches différentes, mais beaucoup de scientifiques ne se rappellent pas comment ils diffèrent..
2. Toutefois beaucoup de scientifiques ne se soucient pas de la puissance du test (ni de la nécessité d'une analyse de puissance faite avant le test).
3. En fait, toute la procédure est souvent réduite à une valeur P ou un nombre d'étoiles, le plus le mieux.

Les tests de signifiante et les tests d'hypothèses

1. Les tests de signifiante et les tests d'hypothèses sont deux approches différentes, mais beaucoup de scientifiques ne se rappellent pas comment ils diffèrent..
2. Toutefois beaucoup de scientifiques ne se soucient pas de la puissance du test (ni de la nécessité d'une analyse de puissance faite avant le test).
3. En fait, toute la procédure est souvent réduite à une valeur P ou un nombre d'étoiles, le plus le mieux.
4. Les logiciels statistiques sont souvent simplistes (surtout ceux qui sont vendus).

Les tests de signifiante et les tests d'hypothèses

1. Les tests de signifiante et les tests d'hypothèses sont deux approches différentes, mais beaucoup de scientifiques ne se rappellent pas comment ils diffèrent..
2. Toutefois beaucoup de scientifiques ne se soucient pas de la puissance du test (ni de la nécessité d'une analyse de puissance faite avant le test).
3. En fait, toute la procédure est souvent réduite à une valeur P ou un nombre d'étoiles, le plus le mieux.
4. Les logiciels statistiques sont souvent simplistes (surtout ceux qui sont vendus).
5. Les éditeurs des journaux scientifiques exigent souvent des tests d'hypothèses.

Les tests de signifiante et les tests d'hypothèses

1. Les tests de signifiante et les tests d'hypothèses sont deux approches différentes, mais beaucoup de scientifiques ne se rappellent pas comment ils diffèrent..
2. Toutefois beaucoup de scientifiques ne se soucient pas de la puissance du test (ni de la nécessité d'une analyse de puissance faite avant le test).
3. En fait, toute la procédure est souvent réduite à une valeur P ou un nombre d'étoiles, le plus le mieux.
4. Les logiciels statistiques sont souvent simplistes (surtout ceux qui sont vendus).
5. Les éditeurs des journaux scientifiques exigent souvent des tests d'hypothèses.
6. Mais, en réduisant une réalité complexe à un choix entre deux alternatives on risque d'ignorer beaucoup...

Les problèmes des tests d'hypothèses

1. Les tests d'hypothèses conditionnent sur quelque chose d'inconnu : la vérité de H_0 .

Les problèmes des tests d'hypothèses

1. Les tests d'hypothèses conditionnent sur quelque chose d'inconnu : la vérité de H_0 .
2. La raison pour ceci est que les fréquentistes considèrent que les paramètres sont fixes et les données aléatoires.

Les problèmes des tests d'hypothèses

1. Les tests d'hypothèses conditionnent sur quelque chose d'inconnu : la vérité de H_0 .
2. La raison pour ceci est que les fréquentistes considèrent que les paramètres sont fixes et les données aléatoires.
3. La "preuve par contradiction" de Fisher (ou bien quelque chose de rare s'est passé, ou bien H_0 est fausse) ne marche pas avec des variables stochastiques.

Les problèmes des tests d'hypothèses

1. Les tests d'hypothèses conditionnent sur quelque chose d'inconnu : la vérité de H_0 .
2. La raison pour ceci est que les fréquentistes considèrent que les paramètres sont fixes et les données aléatoires.
3. La “preuve par contradiction” de Fisher (ou bien quelque chose de rare s'est passé, ou bien H_0 est fausse) ne marche pas avec des variables stochastiques.
4. *Une hypothèse qui pourrait être vraie peut être rejetée parce qu'elle n'a pas prédit des résultats observables qui n'ont pas eu lieu (Jeffreys, 1961)*

Les problèmes des tests d'hypothèses

1. Les tests d'hypothèses conditionnent sur quelque chose d'inconnu : la vérité de H_0 .
2. La raison pour ceci est que les fréquentistes considèrent que les paramètres sont fixes et les données aléatoires.
3. La "preuve par contradiction" de Fisher (ou bien quelque chose de rare s'est passé, ou bien H_0 est fausse) ne marche pas avec des variables stochastiques.
4. *Une hypothèse qui pourrait être vraie peut être rejetée parce qu'elle n'a pas prédit des résultats observables qui n'ont pas eu lieu (Jeffreys, 1961)*
5. En réduisant une réalité complexe à un choix entre deux alternatives on risque d'ignorer beaucoup...

Les tests d'hypothèses ne mesurent pas l'évidence

1. Bien que la plupart des scientifiques pensent qu'ils le font.

Les tests d'hypothèses ne mesurent pas l'évidence

1. Bien que la plupart des scientifiques pensent qu'ils le font.
2. Les tests d'hypothèses, même s'ils sont utilisés correctement, ne peuvent que donner une réponse préliminaire à une question très simple.

Les tests d'hypothèses ne mesurent pas l'évidence

1. Bien que la plupart des scientifiques pensent qu'ils le font.
2. Les tests d'hypothèses, même s'ils sont utilisés correctement, ne peuvent que donner une réponse préliminaire à une question très simple.
3. La plupart des problèmes scientifiques ne se résolvent pas avec des tests dichotomiques : ils exigent la modélisation souvent sophistiquée et la comparaison de différents modèles chacun possiblement complexe.

Les tests d'hypothèses ne mesurent pas l'évidence

1. Bien que la plupart des scientifiques pensent qu'ils le font.
2. Les tests d'hypothèses, même s'ils sont utilisés correctement, ne peuvent que donner une réponse préliminaire à une question très simple.
3. La plupart des problèmes scientifiques ne se résolvent pas avec des tests dichotomiques : ils exigent la modélisation souvent sophistiquée et la comparaison de différents modèles chacun possiblement complexe.
4. L'analyse Bayésienne part des connaissances actuelles (dans ses priors) et utilise la vraisemblance (modèle et données) pour bâtir la probabilité postérieure.

Les tests d'hypothèses ne mesurent pas l'évidence

1. Bien que la plupart des scientifiques pensent qu'ils le font.
2. Les tests d'hypothèses, même s'ils sont utilisés correctement, ne peuvent que donner une réponse préliminaire à une question très simple.
3. La plupart des problèmes scientifiques ne se résolvent pas avec des tests dichotomiques : ils exigent la modélisation souvent sophistiquée et la comparaison de différents modèles chacun possiblement complexe.
4. L'analyse Bayésienne part des connaissances actuelles (dans ses priors) et utilise la vraisemblance (modèle et données) pour bâtir la probabilité postérieure.
5. Maintenant que les ordinateurs nous aident avec nos inférences statistiques les méthodes Bayésiennes sont devenues les meilleurs outils pour mesurer l'évidence scientifique.

Les conséquences de l'ignorance

1. De plus en plus de statisticiens avertissent contre les abus des tests d'hypothèses et d'une approche dichotomique pour le dépistage d'évidence.

Les conséquences de l'ignorance

1. De plus en plus de statisticiens avertissent contre les abus des tests d'hypothèses et d'une approche dichotomique pour le dépistage d'évidence.
2. La crise de reproductibilité d'études scientifiques est en partie reliée aux mésententes statistiques parmi les scientifiques.

Les conséquences de l'ignorance

1. De plus en plus de statisticiens avertissent contre les abus des tests d'hypothèses et d'une approche dichotomique pour le dépistage d'évidence.
2. La crise de reproductibilité d'études scientifiques est en partie reliée aux mésententes statistiques parmi les scientifiques.
3. Beaucoup de statisticiens ont plaidoyé pour une modernisation de l'enseignement de l'inférence statistique.

Les conséquences de l'ignorance

1. De plus en plus de statisticiens avertissent contre les abus des tests d'hypothèses et d'une approche dichotomique pour le dépistage d'évidence.
2. La crise de reproductibilité d'études scientifiques est en partie liée aux mésententes statistiques parmi les scientifiques.
3. Beaucoup de statisticiens ont plaidoyé pour une modernisation de l'enseignement de l'inférence statistique.
4. Parce que R est utilisé par beaucoup de chercheurs cette révolution dans l'enseignement des méthodes statistiques a aussi des implications pour nous.

Comment remédier à cet état des choses ?

1. Les bases de l'inférence Bayésienne *et* de l'inférence fréquentiste devraient être enseignées toutes les deux.

Comment remédier à cet état des choses ?

1. Les bases de l'inférence Bayésienne *et* de l'inférence fréquentiste devraient être enseignées toutes les deux.
2. Étudier les deux approches permet de mieux voir les limites de chacune.

Comment remédier à cet état des choses ?

1. Les bases de l'inférence Bayésienne *et* de l'inférence fréquentiste devraient être enseignées toutes les deux.
2. Étudier les deux approches permet de mieux voir les limites de chacune.
3. Il est aussi nécessaire qu'un logiciel moderne soit enseigné, de préférence un logiciel ouvert.

Comment remédier à cet état des choses ?

1. Les bases de l'inférence Bayésienne *et* de l'inférence fréquentiste devraient être enseignées toutes les deux.
2. Étudier les deux approches permet de mieux voir les limites de chacune.
3. Il est aussi nécessaire qu'un logiciel moderne soit enseigné, de préférence un logiciel ouvert.
4. On devrait enseigner *la modélisation plutôt que des recettes.*

Comment remédier à cet état des choses ?

1. Les bases de l'inférence Bayésienne *et* de l'inférence fréquentiste devraient être enseignées toutes les deux.
2. Étudier les deux approches permet de mieux voir les limites de chacune.
3. Il est aussi nécessaire qu'un logiciel moderne soit enseigné, de préférence un logiciel ouvert.
4. On devrait enseigner *la modélisation plutôt que des recettes*.
5. Les chercheurs devraient arrêter de publier dans les journaux qui insistent sur des tests d'hypothèses.

Comment remédier à cet état des choses ?

1. Les bases de l'inférence Bayésienne *et* de l'inférence fréquentiste devraient être enseignées toutes les deux.
2. Étudier les deux approches permet de mieux voir les limites de chacune.
3. Il est aussi nécessaire qu'un logiciel moderne soit enseigné, de préférence un logiciel ouvert.
4. On devrait enseigner *la modélisation plutôt que des recettes*.
5. Les chercheurs devraient arrêter de publier dans les journaux qui insistent sur des tests d'hypothèses.
6. Le développement de logiciels d'inférence statistique modernes devrait être encouragé.

La vraisemblance

1. La vraisemblance, la probabilité d'un ensemble d'observations étant donné le (ou les) paramètre(s), est utilisée dans les trois approches statistiques.

La vraisemblance

1. La vraisemblance, la probabilité d'un ensemble d'observations étant donné le (ou les) paramètre(s), est utilisée dans les trois approches statistiques.
2. Les fréquentistes l'utilisent pour trouver la valeur du paramètre qui maximise la vraisemblance.

La vraisemblance

1. La vraisemblance, la probabilité d'un ensemble d'observations étant donné le (ou les) paramètre(s), est utilisée dans les trois approches statistiques.
2. Les fréquentistes l'utilisent pour trouver la valeur du paramètre qui maximise la vraisemblance.
3. Les Bayésiens et vraisemblantistes utilisent toute la vraisemblance, qui devient, multipliée par le prior pour les Bayésiens leur probabilité postérieure, ou pour les vraisemblantistes (en utilisant une autre standardisation), leur vraisemblance de profil modifiée.

La vraisemblance

1. La vraisemblance, la probabilité d'un ensemble d'observations étant donné le (ou les) paramètre(s), est utilisée dans les trois approches statistiques.
2. Les fréquentistes l'utilisent pour trouver la valeur du paramètre qui maximise la vraisemblance.
3. Les Bayesiens et vraisemblantistes utilisent toute la vraisemblance, qui devient, multipliée par le prior pour les Bayesiens leur probabilité postérieure, ou pour les vraisemblantistes (en utilisant une autre standardisation), leur vraisemblance de profil modifiée.
4. Donc c'est dans le calcul de la vraisemblance que les données sont utilisées.

La vraisemblance

1. La vraisemblance, la probabilité d'un ensemble d'observations étant donné le (ou les) paramètre(s), est utilisée dans les trois approches statistiques.
2. Les fréquentistes l'utilisent pour trouver la valeur du paramètre qui maximise la vraisemblance.
3. Les Bayesiens et vraisemblantistes utilisent toute la vraisemblance, qui devient, multipliée par le prior pour les Bayesiens leur probabilité postérieure, ou pour les vraisemblantistes (en utilisant une autre standardisation), leur vraisemblance de profil modifiée.
4. Donc c'est dans le calcul de la vraisemblance que les données sont utilisées.
5. Une valeur P pour les fréquentistes dépend des données uniquement dans le sens que la statistique stochastique testée (continue) doit être supérieure au quantile désiré pour rejeter H_0 .

La voie Bayésienne

1. Parce que les paramètres sont incertains ils ont une distribution probabiliste.

La voie Bayésienne

1. Parce que les paramètres sont incertains ils ont une distribution probabiliste.
2. Le modèle et les données nous donnent la vraisemblance, notre prior est basé sur nos connaissances antérieures.

La voie Bayésienne

1. Parce que les paramètres sont incertains ils ont une distribution probabiliste.
2. Le modèle et les données nous donnent la vraisemblance, notre prior est basé sur nos connaissances antérieures.
3. La règle de Bayes (postérieur \propto prior \times vraisemblance) et un peu de calcul nous donnent la ou les probabilité(s) postérieure(s).

La voie Bayésienne

1. Parce que les paramètres sont incertains ils ont une distribution probabiliste.
2. Le modèle et les données nous donnent la vraisemblance, notre prior est basé sur nos connaissances antérieures.
3. La règle de Bayes (postérieur \propto prior \times vraisemblance) et un peu de calcul nous donnent la ou les probabilité(s) postérieure(s).
4. Avec ces dernières nous pouvons calculer les valeurs les plus probables des paramètres avec leur intervalles *de crédibilité* (dont la signification est celle que beaucoup de gens attribuent aux intervalles *de confiance*).

La voie Bayésienne

1. Parce que les paramètres sont incertains ils ont une distribution probabiliste.
2. Le modèle et les données nous donnent la vraisemblance, notre prior est basé sur nos connaissances antérieures.
3. La règle de Bayes (postérieur \propto prior \times vraisemblance) et un peu de calcul nous donnent la ou les probabilité(s) postérieure(s).
4. Avec ces dernières nous pouvons calculer les valeurs les plus probables des paramètres avec leur intervalles *de crédibilité* (dont la signification est celle que beaucoup de gens attribuent aux intervalles *de confiance*).
5. L'analyse Bayésienne excelle aussi dans l'analyse des modèles complexes avec beaucoup de paramètres; par exemple les modèles hiérarchiques.

Le package evidence

1. Les fonctions de base en probabilité et statistique fréquentiste sont bien couvertes dans *R* base.

Le package evidence

1. Les fonctions de base en probabilité et statistique fréquentiste sont bien couvertes dans *R* base.
2. La plupart des fonctions dans *evidence* sont donc des fonctions Bayésiennes ou vraisemblantistes.

Le package evidence

1. Les fonctions de base en probabilité et statistique fréquentiste sont bien couvertes dans *R* base.
2. La plupart des fonctions dans *evidence* sont donc des fonctions Bayésiennes ou vraisemblantistes.
3. Beaucoup de ces fonctions ont des noms et arguments semblables aux fonctions fréquentistes correspondantes de *R* base.

Le package evidence

1. Les fonctions de base en probabilité et statistique fréquentiste sont bien couvertes dans *R* base.
2. La plupart des fonctions dans *evidence* sont donc des fonctions Bayésiennes ou vraisemblantistes.
3. Beaucoup de ces fonctions ont des noms et arguments semblables aux fonctions fréquentistes correspondantes de *R* base.
4. Ceci rend disponible à mes étudiants des fonctions pour une variété d'analyses fréquentistes, Bayésiennes et vraisemblantistes.

Le package evidence

1. Les fonctions de base en probabilité et statistique fréquentiste sont bien couvertes dans *R* base.
2. La plupart des fonctions dans *evidence* sont donc des fonctions Bayésiennes ou vraisemblantistes.
3. Beaucoup de ces fonctions ont des noms et arguments semblables aux fonctions fréquentistes correspondantes de *R* base.
4. Ceci rend disponible à mes étudiants des fonctions pour une variété d'analyses fréquentistes, Bayésiennes et vraisemblantistes.
5. Le package n'est pas encore sur CRAN mais sera proposé pour adoption bientôt.

Comparaison de deux proportions : R

1. Supposons que nous nous intéressons aux fractions de phoques mâles dans deux échantillons de phoques Weddell contés à deux occasions.

Comparaison de deux proportions : R

1. Supposons que nous nous intéressons aux fractions de phoques mâles dans deux échantillons de phoques Weddell contés à deux occasions.
2.

```
prop.test(s = c(66, 64), n=c(95, 128))  
X-squared = 7.7, df = 1, p-value = 0.005  
alternative hypothesis: two.sided  
95 percent confidence interval:  
0.05877 0.33071
```


Comparaison de deux proportions dans evidence

```
B2props(c(66, 64), c(95, 128))
```

```
~~~~~  
Bayesian comparison of two proportions  
~~~~~
```

```
Proportions: 0.6947 0.5
```

```
Difference: 0.1947
```

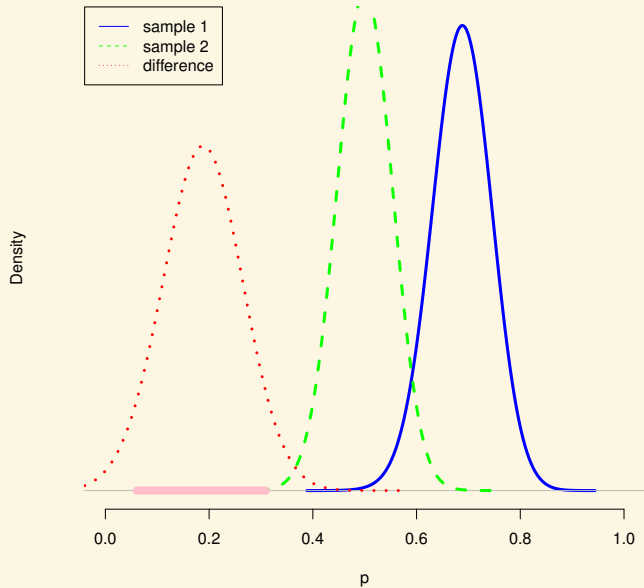
```
95% credible interval of diff.: 0.071 0.298
```

```
Bayes factor against independence = 17.17
```

```
so positive evidence
```

```
P(prop1 < prop2) = 0.001
```

```
P(prop1 > prop2) = 0.999
```



Analyse de distributions normales

1. Les distributions normales (Gaussiennes) sont très communes (théorème central limite).

Analyse de distributions normales

1. Les distributions normales (Gaussiennes) sont très communes (théorème central limite).
2. Elles se caractérisent par deux paramètres : la moyenne et l'écart type et on veut trouver les distributions des paramètres (non observés) à partir de la vraisemblance (modèle normal) et des deux priors.

Analyse de distributions normales

1. Les distributions normales (Gaussiennes) sont très communes (théorème central limite).
2. Elles se caractérisent par deux paramètres : la moyenne et l'écart type et on veut trouver les distributions des paramètres (non observés) à partir de la vraisemblance (modèle normal) et des deux priors.
3. Commençons avec l'analyse d'une variable Gaussienne.

Analyse de distributions normales

1. Les distributions normales (Gaussiennes) sont très communes (théorème central limite).
2. Elles se caractérisent par deux paramètres : la moyenne et l'écart type et on veut trouver les distributions des paramètres (non observés) à partir de la vraisemblance (modèle normal) et des deux priors.
3. Commençons avec l'analyse d'une variable Gaussienne.
4. On analyse l'ensemble de données Fat du package `evidence` dont on utilise la variable `Height`, la hauteur de la personne en pouces.

Analyse de distributions normales

1. Les distributions normales (Gaussiennes) sont très communes (théorème central limite).
2. Elles se caractérisent par deux paramètres : la moyenne et l'écart type et on veut trouver les distributions des paramètres (non observés) à partir de la vraisemblance (modèle normal) et des deux priors.
3. Commençons avec l'analyse d'une variable Gaussienne.
4. On analyse l'ensemble de données Fat du package `evidence` dont on utilise la variable `Height`, la hauteur de la personne en pouces.
5. Pour le prior du paramètre μ on peut prendre une distribution uniforme et pour celui de σ une χ^2 inverse et alors les distributions postérieures des deux paramètres sont simulées en trois lignes de `R`.

La fonction B_{1N}^{sir}

1. Ces priors s'appellent des priors SIR (Standard Improper Reference) et nous donnent une façon très simple d'obtenir nos distributions postérieures.

La fonction B_{1N}^{sir}

1. Ces priors s'appellent des priors SIR (Standard Improper Reference) et nous donnent une façon très simple d'obtenir nos distributions postérieures.
2. L'inconvénient de ces priors est que dans la plupart des cas c'est préférable d'utiliser des priors plus informatifs.

La fonction $B_{1N\text{Sir}}$

1. Ces priors s'appellent des priors SIR (Standard Improper Reference) et nous donnent une façon très simple d'obtenir nos distributions postérieures.
2. L'inconvénient de ces priors est que dans la plupart des cas c'est préférable d'utiliser des priors plus informatifs.
3. Parce que le prior pour μ ne modifie pas la vraisemblance les résultats sont presque identiques à ceux d'une analyse standard fréquentiste.

La fonction B_{1N}^{sir}

1. Ces priors s'appellent des priors SIR (Standard Improper Reference) et nous donnent une façon très simple d'obtenir nos distributions postérieures.
2. L'inconvénient de ces priors est que dans la plupart des cas c'est préférable d'utiliser des priors plus informatifs.
3. Parce que le prior pour μ ne modifie pas la vraisemblance les résultats sont presque identiques à ceux d'une analyse standard fréquentiste.
4. Néanmoins, l'intervalle de crédibilité pour μ signifie ce que la plupart des utilisateurs d'intervalles de confiance fréquentistes aimeraient que leurs intervalles de confiance signifient !

Analyse Bayésienne et analyse fréquentiste comparées

1. B1Nsir(Fat\$Height)

```
sample mean: 70.308 ; sample sd: 2.61  
Post. mean: 70.305  
95 % cred. int.: 69.981 70.622  
Post. std. dev.: 2.614
```

Analyse Bayésienne et analyse fréquentiste comparées

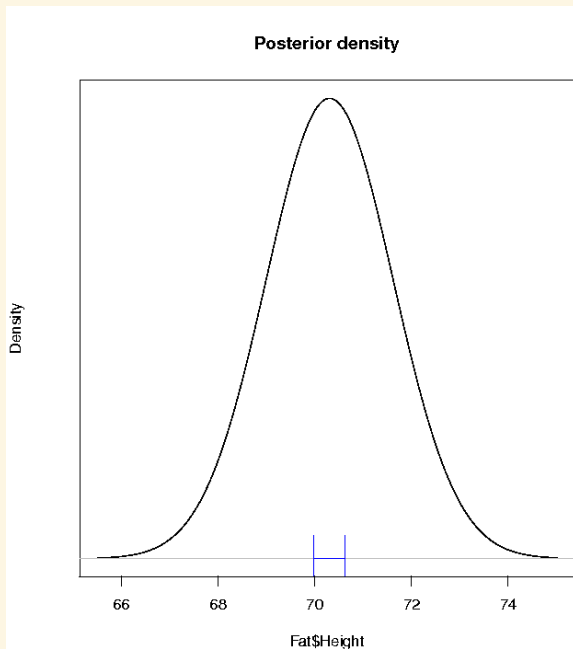
1. B1Nsir(Fat\$Height)

```
sample mean: 70.308 ; sample sd: 2.61  
Post. mean: 70.305  
95 % cred. int.: 69.981 70.622  
Post. std. dev.: 2.614
```

2. Maintenant l'analyse fréquentiste en R (en partie) :

```
t.test(Fat$Height)  
95 percent confidence interval:  
 69.98 70.63  
sample estimates:  
mean of x  
 70.31
```

La distribution postérieure de μ produite par B1Nsir



Une analyse Bayésienne plus complète

1. Essayons maintenant une analyse plus complète de ces mêmes données avec des priors plus réalistes et avec du contrôle de “qualité” en utilisant la fonction B1Nmean.

Une analyse Bayésienne plus complète

1. Essayons maintenant une analyse plus complète de ces mêmes données avec des priors plus réalistes et avec du contrôle de “qualité” en utilisant la fonction `B1Nmean`.
2. La fonction `B1Nmean` utilise `stanarm` qui utilise `rstan` pour estimer les paramètres du modèle et construire avec eux des “données” prédites.

Une analyse Bayésienne plus complète

1. Essayons maintenant une analyse plus complète de ces mêmes données avec des priors plus réalistes et avec du contrôle de “qualité” en utilisant la fonction `B1Nmean`.
2. La fonction `B1Nmean` utilise `stanarm` qui utilise `rstan` pour estimer les paramètres du modèle et construire avec eux des “données” prédites.
3. Ensuite nous comparons la distribution de la densité de μ de la première analyse avec celles des cent réplifications.

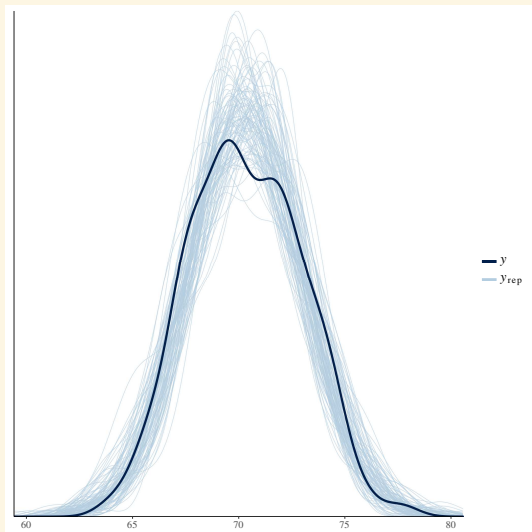
Une analyse Bayésienne plus complète

1. Essayons maintenant une analyse plus complète de ces mêmes données avec des priors plus réalistes et avec du contrôle de “qualité” en utilisant la fonction `B1Nmean`.
2. La fonction `B1Nmean` utilise `stanarm` qui utilise `rstan` pour estimer les paramètres du modèle et construire avec eux des “données” prédites.
3. Ensuite nous comparons la distribution de la densité de μ de la première analyse avec celles des cent répliqués.
4. Si la distribution originale et les distributions répliquées sont pareilles on peut avoir confiance dans l'estimation.

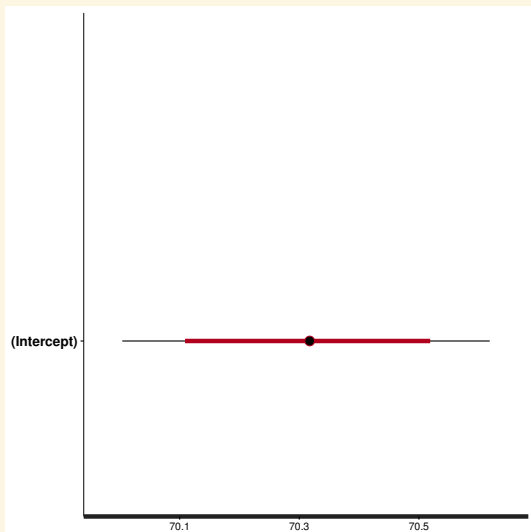
Une analyse Bayésienne plus complète

1. Essayons maintenant une analyse plus complète de ces mêmes données avec des priors plus réalistes et avec du contrôle de “qualité” en utilisant la fonction `B1Nmean`.
2. La fonction `B1Nmean` utilise `stanarm` qui utilise `rstan` pour estimer les paramètres du modèle et construire avec eux des “données” prédites.
3. Ensuite nous comparons la distribution de la densité de μ de la première analyse avec celles des cent répliqués.
4. Si la distribution originale et les distributions répliquées sont pareilles on peut avoir confiance dans l'estimation.
5. Si non, il doit y avoir un problème quelque part.

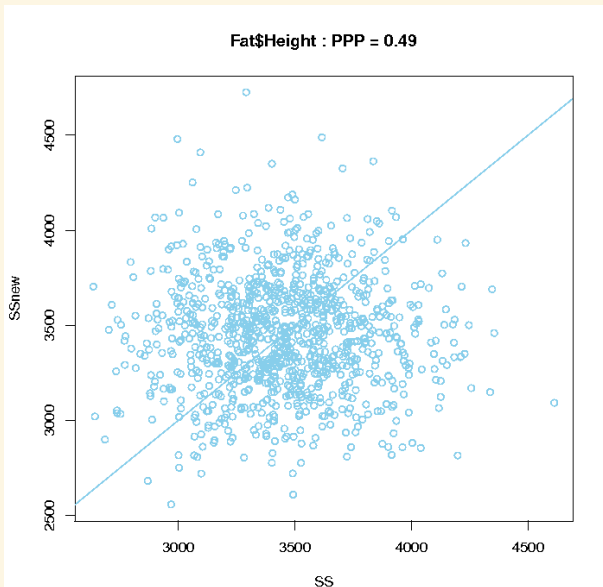
La distribution postérieure des vraies données (en noir) comparée à celles de 100 répliquions par B1Nmean



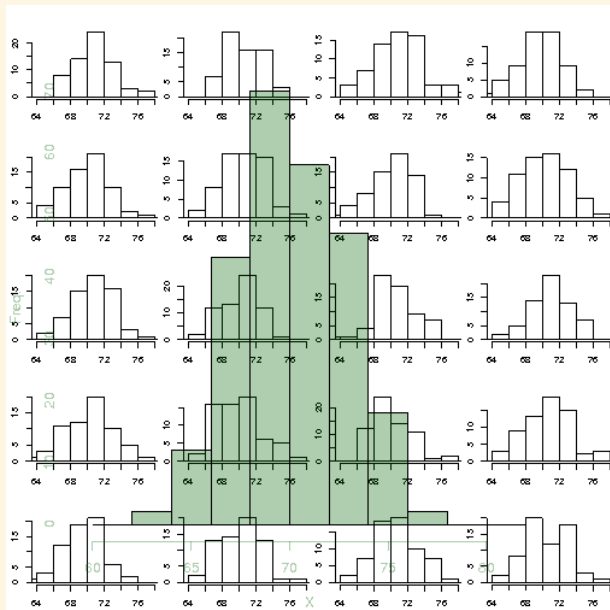
La moyenne paramétrique et ses limites de crédibilité estimées (90% et 95%) par la fonction B1Nmean



La valeur p postérieure prédictive estimée par la fonction B1Nmean



Données et 20 réplifications comparées par la fonction B1Nmean



Comment juger si le modèle n'est pas approprié ?

1. Prenons une autre variable : `lightspeed`, qui est la vitesse de la lumière mesurée par Simon Newcomb vers la fin des années 1800.

Comment juger si le modèle n'est pas approprié ?

1. Prenons une autre variable : `lightspeed`, qui est la vitesse de la lumière mesurée par Simon Newcomb vers la fin des années 1800.
2. Le graphique de normalité de R montre au moins quatre points qui semblent être hors place.

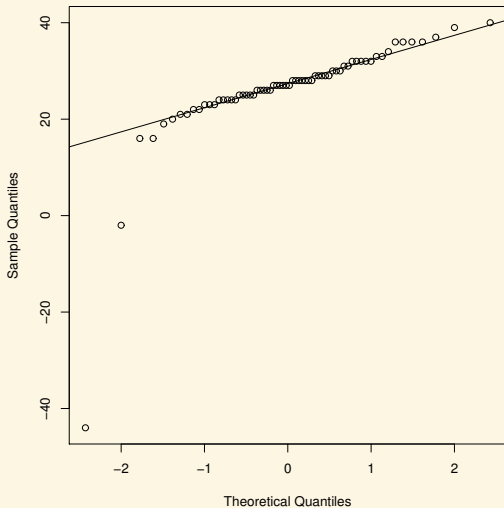
Comment juger si le modèle n'est pas approprié ?

1. Prenons une autre variable : `lightspeed`, qui est la vitesse de la lumière mesurée par Simon Newcomb vers la fin des années 1800.
2. Le graphique de normalité de `R` montre au moins quatre points qui semblent être hors place.
3. `B1Nmean(lightspeed)` produit aussi des graphiques aberrants.

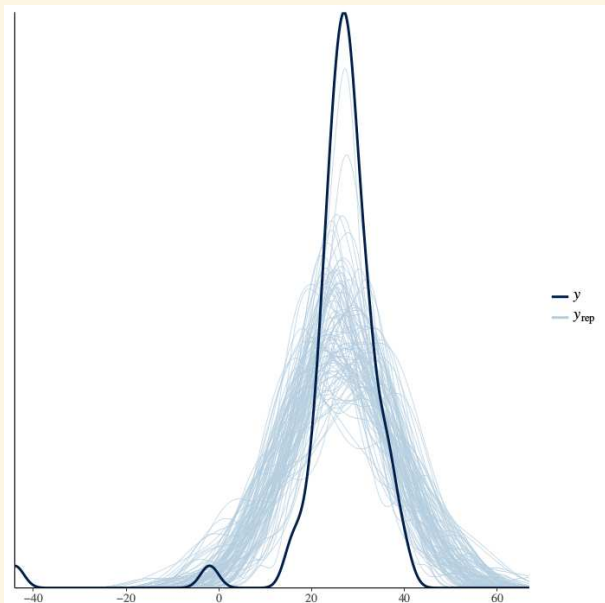
Comment juger si le modèle n'est pas approprié ?

1. Prenons une autre variable : `lightspeed`, qui est la vitesse de la lumière mesurée par Simon Newcomb vers la fin des années 1800.
2. Le graphique de normalité de R montre au moins quatre points qui semblent être hors place.
3. `B1Nmean(lightspeed)` produit aussi des graphiques aberrants.
4. Somme toute, il est clair que la supposition de normalité n'est pas appropriée ici.

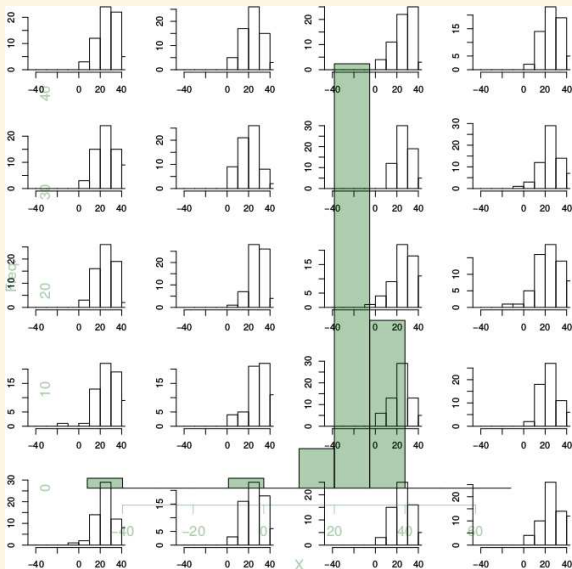
Graphique de normalité pour les données lightspeed



La distribution postérieure des vraies données comparée à celles de 100 répliquions par B1Nmean



Données et 20 répliques pour Lightspeed



Regardons maintenant comment comparer les moyennes de *deux* distributions normales

1. Nous utilisons des températures de corps de deux groupes d'étudiant(e)s dans le `data.frame` `bodytemp`.

Regardons maintenant comment comparer les moyennes de *deux* distributions normales

1. Nous utilisons des températures de corps de deux groupes d'étudiant(e)s dans le `data.frame` `bodytemp`.
2. L'équivalent de `B1Nsir` qui compare deux moyennes s'appelle évidemment `B2Nsir`.

Regardons maintenant comment comparer les moyennes de *deux* distributions normales

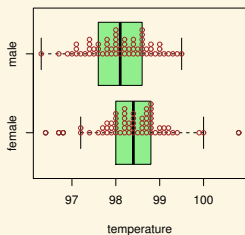
1. Nous utilisons des températures de corps de deux groupes d'étudiant(e)s dans le `data.frame` `bodytemp`.
2. L'équivalent de `B1Nsir` qui compare deux moyennes s'appelle évidemment `B2Nsir`.
3. Nous voulons comparer les températures corporelles des deux sexes, donc nous tappons `B2Nsir(temperature ~ gender, data=bodytemp)`

Regardons maintenant comment comparer les moyennes de *deux* distributions normales

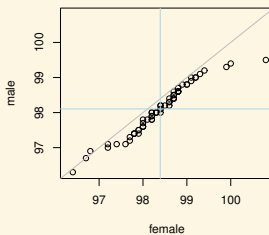
1. Nous utilisons des températures de corps de deux groupes d'étudiant(e)s dans le `data.frame` `bodytemp`.
2. L'équivalent de `B1Nsr` qui compare deux moyennes s'appelle évidemment `B2Nsr`.
3. Nous voulons comparer les températures corporelles des deux sexes, donc nous tappons `B2Nsr(temperature ~ gender, data=bodytemp)`
4. Les résultats et graphiques suivent.

La comparaison de deux moyennes par B2Nsir

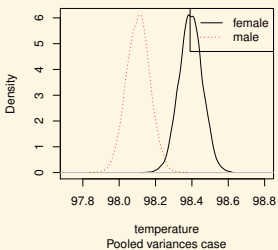
Boxplot and stripchart



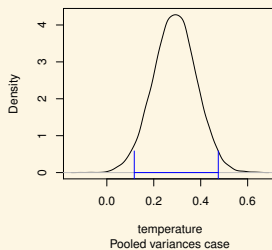
qq-plot



Posterior densities of means



Post. density of diff. between means



Comparaison et sélection de modèles

1. Une composante importante de l'inférence statistique est la modélisation : trouver le modèle parfait pour une analyse en recherche prend généralement du temps.

Comparaison et sélection de modèles

1. Une composante importante de l'inférence statistique est la modélisation : trouver le modèle parfait pour une analyse en recherche prend généralement du temps.
2. Le plus souvent on trouve plusieurs modèles qui semblent adéquats, ce qui mène à la question : lequel sera mon premier choix, lequel mon deuxième, etc.

Comparaison et sélection de modèles

1. Une composante importante de l'inférence statistique est la modélisation : trouver le modèle parfait pour une analyse en recherche prend généralement du temps.
2. Le plus souvent on trouve plusieurs modèles qui semblent adéquats, ce qui mène à la question : lequel sera mon premier choix, lequel mon deuxième, etc.
3. Heureusement il existent plusieurs bonnes méthodes pour ce genre d'arrangement, mais pour choisir un modèle il faut d'abord décider : optimal pour quoi ?

Comparaison et sélection de modèles

1. Une composante importante de l'inférence statistique est la modélisation : trouver le modèle parfait pour une analyse en recherche prend généralement du temps.
2. Le plus souvent on trouve plusieurs modèles qui semblent adéquats, ce qui mène à la question : lequel sera mon premier choix, lequel mon deuxième, etc.
3. Heureusement il existent plusieurs bonnes méthodes pour ce genre d'arrangement, mais pour choisir un modèle il faut d'abord décider : optimal pour quoi ?
4. Pour les critères dits d'information comme le AIC le but primordial d'un modèle est la prédiction.

Comparaison et sélection de modèles

1. Une composante importante de l'inférence statistique est la modélisation : trouver le modèle parfait pour une analyse en recherche prend généralement du temps.
2. Le plus souvent on trouve plusieurs modèles qui semblent adéquats, ce qui mène à la question : lequel sera mon premier choix, lequel mon deuxième, etc.
3. Heureusement il existent plusieurs bonnes méthodes pour ce genre d'arrangement, mais pour choisir un modèle il faut d'abord décider : optimal pour quoi ?
4. Pour les critères dits d'information comme le AIC le but primordial d'un modèle est la prédiction.
5. En statistique Bayésienne on utilise maintenant surtout le WAIC, mais on peut aussi arranger des modèles en ordre de leurs probabilités marginales postérieures.

Comparaison et sélection de modèles

1. Une composante importante de l'inférence statistique est la modélisation : trouver le modèle parfait pour une analyse en recherche prend généralement du temps.
2. Le plus souvent on trouve plusieurs modèles qui semblent adéquats, ce qui mène à la question : lequel sera mon premier choix, lequel mon deuxième, etc.
3. Heureusement il existent plusieurs bonnes méthodes pour ce genre d'arrangement, mais pour choisir un modèle il faut d'abord décider : optimal pour quoi ?
4. Pour les critères dits d'information comme le AIC le but primordial d'un modèle est la prédiction.
5. En statistique Bayésienne on utilise maintenant surtout le WAIC, mais on peut aussi arranger des modèles en ordre de leurs probabilités marginales postérieures.
6. En voici quelques exemples.

La comparaison de modèles par leurs probabilités marginales postérieures

1. Une façon de comparer différents modèles est de comparer leurs probabilités marginales postérieures.

La comparaison de modèles par leurs probabilités marginales postérieures

1. Une façon de comparer différents modèles est de comparer leurs probabilités marginales postérieures.
2. La fonction $BregBF$ nous permet de comparer ces probabilités et d'obtenir les facteurs Bayes pour la comparaison des modèles.

La comparaison de modèles par leurs probabilités marginales postérieures

1. Une façon de comparer différents modèles est de comparer leurs probabilités marginales postérieures.
2. La fonction `BregBF` nous permet de comparer ces probabilités et d'obtenir les facteurs Bayes pour la comparaison des modèles.
3. Commençons avec un exemple très simple, l'ensemble des données `PlantGrowth` de `R`.

La comparaison de modèles par leurs probabilités marginales postérieures

1. Une façon de comparer différents modèles est de comparer leurs probabilités marginales postérieures.
2. La fonction `BregBF` nous permet de comparer ces probabilités et d'obtenir les facteurs Bayes pour la comparaison des modèles.
3. Commençons avec un exemple très simple, l'ensemble des données `PlantGrowth` de *R*.
4. Ces données contiennent les résultats d'une expérience en physiologie des plantes exposées à trois traitements.

La comparaison de modèles par leurs probabilités marginales postérieures

1. Une façon de comparer différents modèles est de comparer leurs probabilités marginales postérieures.
2. La fonction `BregBF` nous permet de comparer ces probabilités et d'obtenir les facteurs Bayes pour la comparaison des modèles.
3. Commençons avec un exemple très simple, l'ensemble des données `PlantGrowth` de `R`.
4. Ces données contiennent les résultats d'une expérience en physiologie des plantes exposées à trois traitements.
5. Voici l'analyse conventionnelle en `R` suivie par une analyse Bayésienne simple en utilisant `BnNsir` :

Anova fréquentiste de PlantGrowth

```
R> summary(aov(weight ~ group, data=PlantGrowth))
```

	Df	Sum Sq	Mean Sq	F value	Pr(>F)
group	2	3.77	1.883	4.85	0.016
Residuals	27	10.49	0.389		

Une analyse Bayésienne simple

```
R> BnNsir(weight ~ group, data=PlantGrowth)
```

```
.  
.
```

```
Parametric mean estimates:
```

```
5.033 4.66 5.526
```

```
alpha[i]:
```

```
0 -0.374 0.491
```

```
-----  
diff. mu[ 2 ] - mu[1]: -0.371
```

```
95 % cred. int.: -0.778 0.033
```

```
pooled sigma: 0.737
```

```
with 95 % cred. int.: 0.575 0.986
```

```
-----  
diff. mu[ 3 ] - mu[1]: 0.492
```

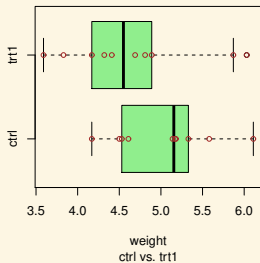
```
95 % cred. int.: 0.09 0.9
```

```
pooled sigma: 0.737
```

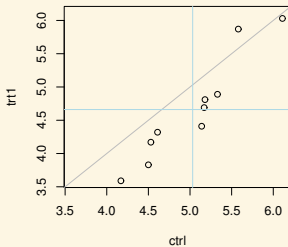
```
with 95 % cred. int.: 0.575 0.986
```

Analyse exploratoire par BnNsir

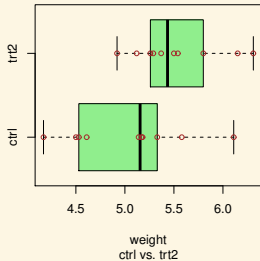
Boxplot and stripchart



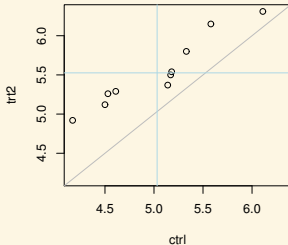
qq-plot



Boxplot and stripchart

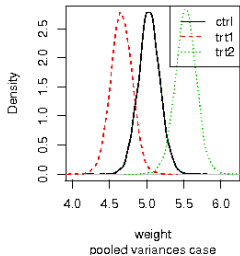


qq-plot

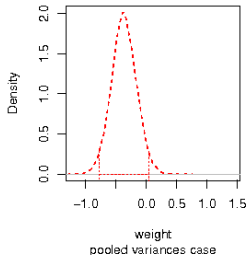


Analyse exploratoire par BnNsir (suite)

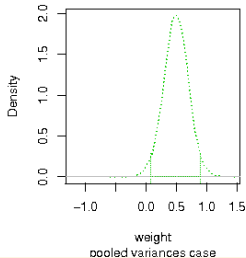
Posterior densities of means



Post. dens. of diff. mean 1 and 2



Post. dens. of diff. mean 1 and 3



Préparation pour l'utilisation de la fonction BregBF

1. La fonction BregBF doit être fournie avec une liste contenant les formules des modèles que l'on veut comparer.

Préparation pour l'utilisation de la fonction BregBF

1. La fonction BregBF doit être fournie avec une liste contenant les formules des modèles que l'on veut comparer.
2. Notez bien que la variable de réponse doit être la même !

Préparation pour l'utilisation de la fonction BregBF

1. La fonction BregBF doit être fournie avec une liste contenant les formules des modèles que l'on veut comparer.
2. Notez bien que la variable de réponse doit être la même !
3. Voici comment préparer cette liste :

```
> frmlst <- list(  
  model0=formula(weight ~ 1),  
  model1=formula(weight ~ group) )
```

Maintenant on invoque BregBF :

```
R> BregBF(frmlst, PlantGrowth)
```

Model formulae:

```
weight ~ 1
```

```
weight ~ group
```

La suite des résultats :

Bayes factors:

	weight ~ 1	weight ~ group
weight ~ 1	1.0	0.0615
weight ~ group	16.3	1.0000

Marginal posterior probabilities of each of the models:

	model	pmp
1	weight ~ 1	0.058
2	weight ~ group	0.942

Maintenant on analyse quatre modèles

1. Les données viennent du livre de Christensen et al. :
Bayesian Ideas in Data Analysis

Maintenant on analyse quatre modèles

1. Les données viennent du livre de Christensen et al. :
Bayesian Ideas in Data Analysis
2. Le volume expiratoire forcé (FEV) était mesuré chez 654 enfants et adolescents et comme prédicteurs on avait l'âge, la hauteur, le sexe et un indicateur si la personne fumait (1) ou pas (0).

Maintenant on analyse quatre modèles

1. Les données viennent du livre de Christensen et al. :
Bayesian Ideas in Data Analysis
2. Le volume expiratoire forcé (FEV) était mesuré chez 654 enfants et adolescents et comme prédicteurs on avait l'âge, la hauteur, le sexe et un indicateur si la personne fumait (1) ou pas (0).
3. On commence à enregistrer la liste des formules comme on l'avait fait auparavant.

Maintenant on analyse quatre modèles

1. Les données viennent du livre de Christensen et al. :
Bayesian Ideas in Data Analysis
2. Le volume expiratoire forcé (FEV) était mesuré chez 654 enfants et adolescents et comme prédicteurs on avait l'âge, la hauteur, le sexe et un indicateur si la personne fumait (1) ou pas (0).
3. On commence à enregistrer la liste des formules comme on l'avait fait auparavant.
4. Ensuite on lance la fonction BregBF :

La suite des résultats :

```
R> BregBF(frmlstFEV, fev)
```

```
~~~~~  
Bayesian regression linear model comparison with Bayes factors  
~~~~~
```

Model formulae:

```
FEV ~ Age
```

```
FEV ~ Smoke
```

```
FEV ~ Age + Smoke
```

```
FEV ~ Age * Smoke
```

TABLE – Bayes factors for the four FEV models.

	Age	Smoke	Age + Smoke	Age * Smoke
Age	1.00	$3.44 \times 10^{+111}$	6.60×10^{-01}	6.20×10^{-06}
Smoke	2.91×10^{-112}	1.00	1.92×10^{-112}	1.80×10^{-117}
Age + Smoke	1.51	$5.21 \times 10^{+111}$	1.00	9.39×10^{-06}
Age * Smoke	$1.61 \times 10^{+05}$	$5.55 \times 10^{+116}$	$1.07 \times 10^{+05}$	1.00

Probabilités marginales postérieures des modèles

Marginal posterior probabilities of each of the models:

		model	pmp
1	FEV ~ Age	0	
2	FEV ~ Smoke	0	
3	FEV ~ Age + Smoke	0	
4	FEV ~ Age * Smoke	1	

Probabilités marginales postérieures des modèles

